



4/11

FIGURE 4

SEQ ID NO:1	1	M	D	Y	Q	V	S	S	P	I	Y	D	I	N	Y	T	S	E	P	C	Q	K	I	N	K	Q	I	A	A	R	30
	2D7	92	54	90	nd	83	63	82	nd	46	40	40	90	90	86	111	49	37	45	44	37	32	77	92	34	24	14	36	65	65	65
	PA8	111	63	78	nd	52	36	32	nd	4	2	0	53	45	100	97	32	36	44	52	34	24	14	36	65	65	65	65	65	65	65
	PA9	116	13	0	nd	111	9	13	nd	10	0	0	19	62	32	29	71	26	12	36	45	30	55	18	113	34	24	14	36	65	65
	PA10	21	14	0	nd	175	39	22	nd	14	8	15	101	48	99	64	27	47	45	45	39	53	13	113	34	24	14	36	65	65	65
	PA11	70	12	0	nd	111	80	81	nd	40	12	51	74	70	46	85	32	47	36	48	40	47	21	116	34	24	14	36	65	65	65
	PA12	68	10	0	nd	76	81	51	nd	34	12	49	76	68	40	86	30	41	49	46	34	54	17	93	34	24	14	36	65	65	65
	PA14	71	86	75	nd	85	88	89	nd	57	40	64	78	84	66	76	80	71	44	86	64	76	46	99	34	24	14	36	65	65	65

SEQ ID NO:2	H	V	A	A	A	Q	W	D	P	G	N	T	M	C	Q	100	
	2D7	70	89			40	100	40	66		58	72	82	0	71		
	PA8	38	92			49	118	37	115		86	86	64	10	39		
	PA9	31	66			27	81	16	109		118	89	37	0	43		
	PA10	67	83			36	108	18	133		112	97	61	0	40		
	PA11	39	81			38	91	23	78		60	94	71	10	60		
	PA12	63	67			35	91	20	77		76	79	102	23	35		
	PA14	73	79			63	83	23	86		47	89	80	8	77		

SEQ ID NO:3	170	R	S	Q	K	E	G	L	H	Y	T	C	S	S	H	F	P	Y	S	Q	Y	Q	F	W	K	N	F	Q	190
	2D7	62	55	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	PA8	18	10	31	31	63	63	63	63	63	63	63	63	63	63	63	63	63	63	63	63	63	63	63	63	63	63	63	63
	PA9	39	38	61	15	34	15	0	29	93	112	37	43	27	79	63	71	71	71	71	71	71	71	71	71	71	71	71	71
	PA10	45	38	34	19	30	21	0	25	84	96	37	61	39	77	82	21	84	10	31	15	15	15	15	15	15	15	15	15
	PA11	67	38	65	33	49	116	130	37	78	95	40	48	31	91	99	81	34	24	14	36	65	65	65	65	65	65	65	65
	PA12	32	36	36	31	32	102	136	38	73	85	44	49	47	101	90	45	34	24	14	36	65	65	65	65	65	65	65	65
	PA14	17	85	88	59	80	74	9	109	83	33	64	50	40	93	88	62	34	24	14	36	65	65	65	65	65	65	65	65
	PA16	17	85	88	59	80	74	9	109	83	33	64	50	40	93	88	62	34	24	14	36	65	65	65	65	65	65	65	65
	PA18	17	85	88	59	80	74	9	109	83	33	64	50	40	93	88	62	34	24	14	36	65	65	65	65	65	65	65	65
	PA20	17	85	88	59	80	74	9	109	83	33	64	50	40	93	88	62	34	24	14	36	65	65	65	65	65	65	65	65
	PA22	17	85	88	59	80	74	9	109	83	33	64	50	40	93	88	62	34	24	14	36	65	65	65	65	65	65	65	65
	PA24	17	85	88	59	80	74	9	109	83	33	64	50	40	93	88	62	34	24	14	36	65	65	65	65	65	65	65	65
	PA26	17	85	88	59	80	74	9	109	83	33	64	50	40	93	88	62	34	24	14	36	65	65	65	65	65	65	65	65
	PA28	17	85	88	59	80	74	9	109	83	33	64	50	40	93	88	62	34	24	14	36	65	65	65	65	65	65	65	65

SEQ ID NO:4	265	Q	E	F	F	G	L	N	N	C	S	S	S	S	N	R	L	D	Q	270	275
	2D7	83	35	29	0	77	61	80	71	71	71	71	71	71	71	71	71	71	71	71	71
	PA8	78	25	0	0	37	43	42	85	71	71	71	71	71	71	71	71	71	71	71	71
	PA9	32	22	0	0	67	40	30	71	81	77	90	93	112	112	112	112	112	112	112	112
	PA10	41	25	0	0	64	60	36	93	103	49	71	72	128	128	128	128	128	128	128	128
	PA11	60	28	0	0	34	60	49	78	72	70	72	71	144	144	144	144	144	144	144	144
	PA12	60	28	0	0	34	36	46	83	72	99	82	78	131	131	131	131	131	131	131	131
	PA14	92	82	42	0	80	31	92	108	90	98	74	78	112	112	112	112	112	112	112	112
	PA16	92	82	42	0	80	31	92	108	90	98	74	78	112	112	112	112	112	112	112	112
	PA18	92	82	42	0	80	31	92	108	90	98	74	78	112	112	112	112	112	112	112	112
	PA20	92	82	42	0	80	31	92	108	90	98	74	78	112	112	112	112	112	112	112	112
	PA22	92	82	42	0	80	31	92	108	90	98	74	78	112	112	112	112	112	112	112	112
	PA24	92	82	42	0	80	31	92	108	90	98	74	78	112	112	112	112	112	112	112	112
	PA26	92	82	42	0	80	31	92	108	90	98	74	78	112	112	112	112	112	112	112	112
	PA28	92	82	42	0	80	31	92	108	90	98	74	78	112	112	112	112	112	112	112	112

